

重力多体問題専用計算機GRAPE -その動作原理と使用方法

川井敦(KFCR)
台坂博(一橋大)

講義内容

- イントロダクション
- 動作原理
- 国立天文台GRAPEシステム
- GRAPE-7 ライブラリ関数
- 最近のトレンド
- まとめ

GRAPE上のツリー法については高度なN体シミュレーション法で解説

N体シミュレーションの計算コスト

$$\frac{d\mathbf{v}_i}{dt} = - \sum_{i \neq j} \frac{Gm_j(\mathbf{r}_i - \mathbf{r}_j)}{|\mathbf{r}_i - \mathbf{r}_j|^3}$$

- 軌道積分には運動方程式を評価する必要
- 粒子同士の重力相互作用のペア数
 - 粒子数の2乗に比例
 - 軌道積分は粒子数に比例
- N=10000体の場合の計算量の比較
 - 重力計算 $\sim 10^8$ $\rightarrow 10$ sec (if 10^{-7} sec per interaction)
 - 軌道積分 $\sim 10^4$ $\rightarrow 10^{-3}$ sec

重力計算が全計算量の大半を占める

高速化のポイント

いかに速く重力計算を行うか

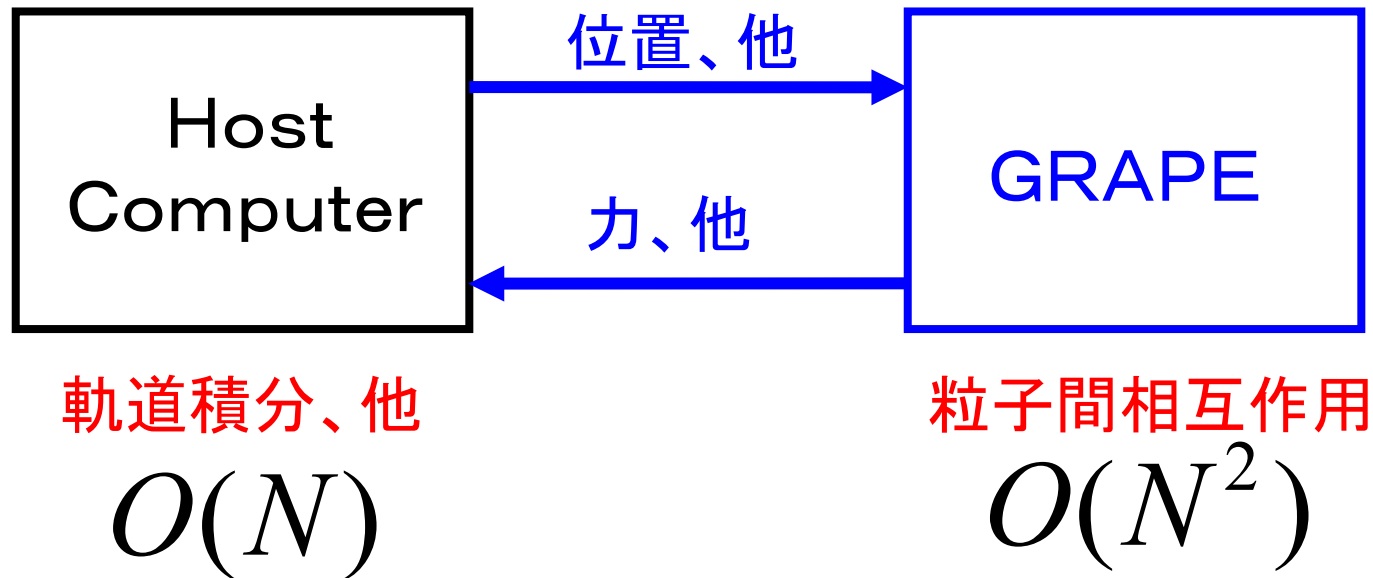
手法:

- 計算量を減らすアルゴリズム:
 - ツリー法、エバルト法、PM法、独立時間刻み(ITS)、、、
- 並列化:
 - PCクラスター、最近ほとんどのスパコン、、、
- 計算機自体の高速化:
 - クロックアップ、マルチコア化、ベクトル演算機、専用化、、、

講義内容

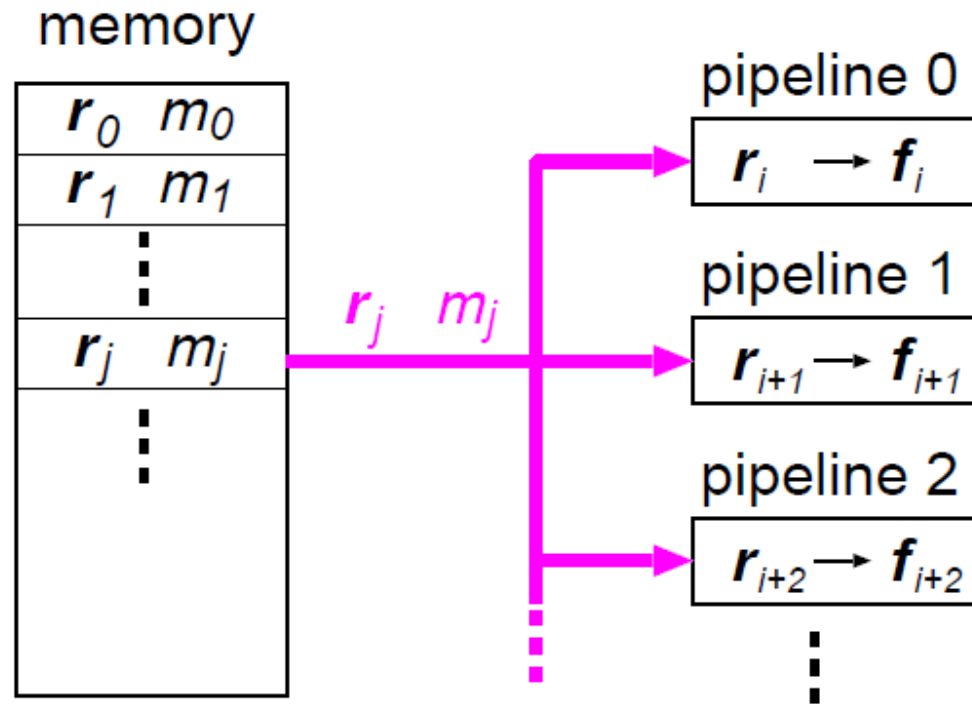
- イントロダクション
- 動作原理
- 国立天文台GRAPEシステム
- GRAPE-7 ライブラリ関数
- 最近のトレンド
- まとめ

GRAPEの設計思想



専用機は重力計算だけを計算する

基本構成



重力計算パイプライン(レジスタ) + 粒子メモリ

- 1回に計算できる粒子数はメモリサイズに依存

重力パイプライン

$$\sum_{i \neq j}^N \frac{m_j (\mathbf{r}_j - \mathbf{r}_i)}{(|\mathbf{r}_j - \mathbf{r}_i|^2 + \epsilon^2)^{3/2}}$$

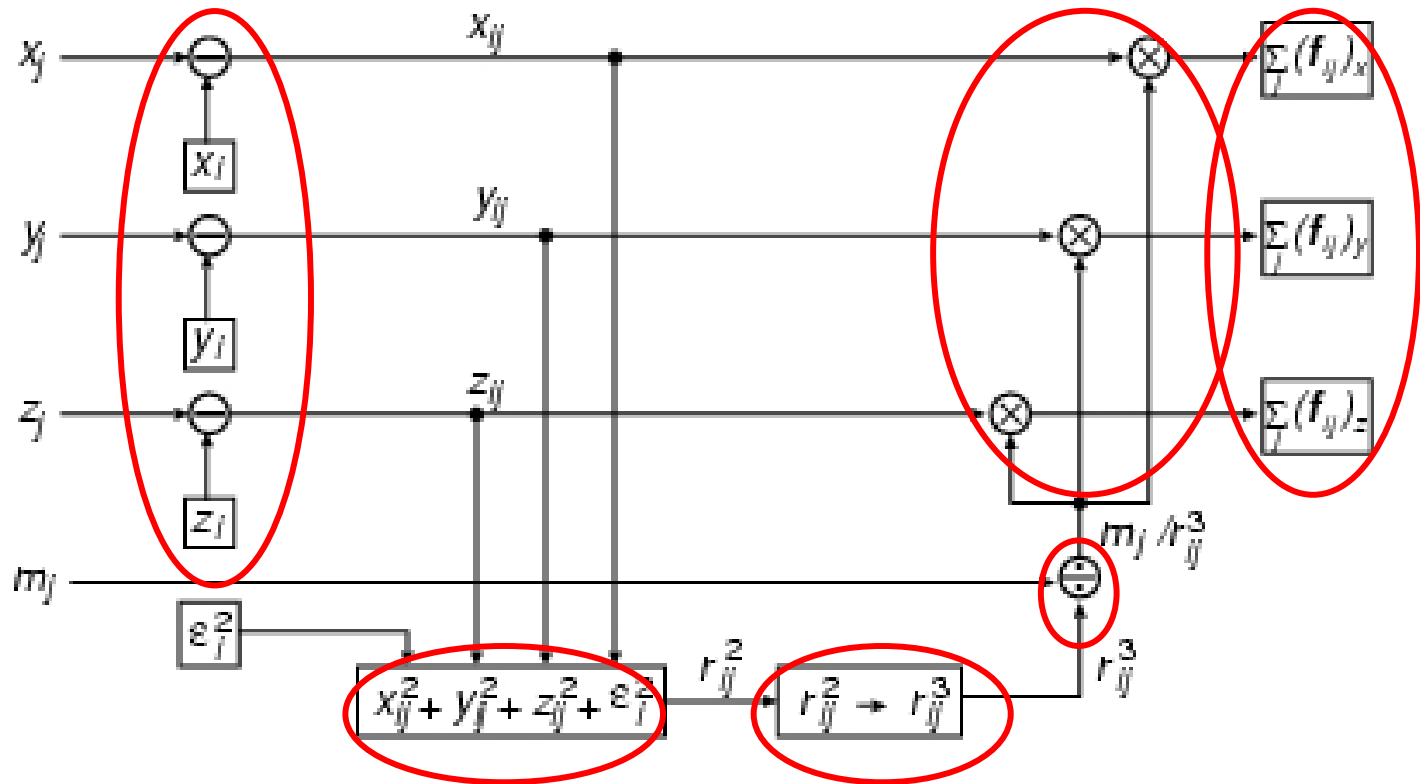


図 4.2: 重力計算パイプライン

必要な演算(約40演算)を同時に行う

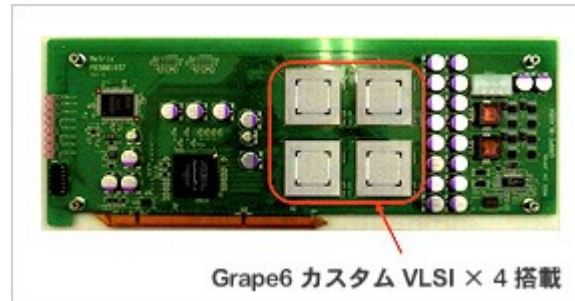
汎用機よりも速い理由

•トランジスターの利用効率が低い

- GRAPEの1チップは100演算以上の計算を同時に行っている
- PCのCPUは何億トランジスターを使ってもオーダー1の演算



3GHz



100MHz

効率化のための工夫

•数値フォーマットの最適化

各演算に適したフォーマットと、必要最小限の語長を選ぶ

•パイプライン化

複数の粒子からの重力計算をパイプライン処理できる

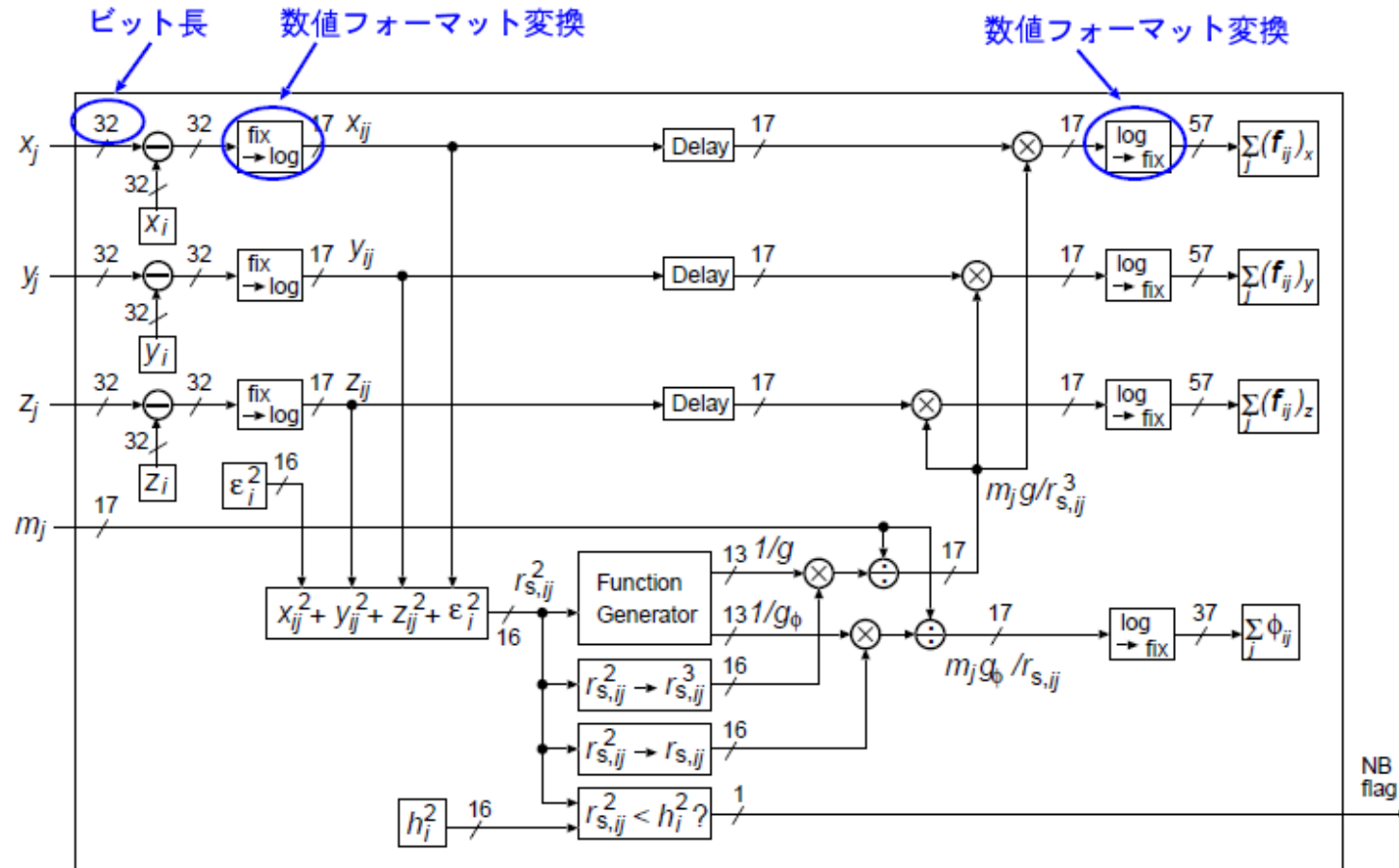
(複数の演算を異なる j 粒子に対して並列実行できる)

•パイプラインの並列化

複数の粒子への重力計算を並列実行できる。特にメモリの動作速度をあげずにパイプライン数を増やせる

計算対象が決まっていること、計算対象に
高い並列性があることを利用している

フォーマットの最適化



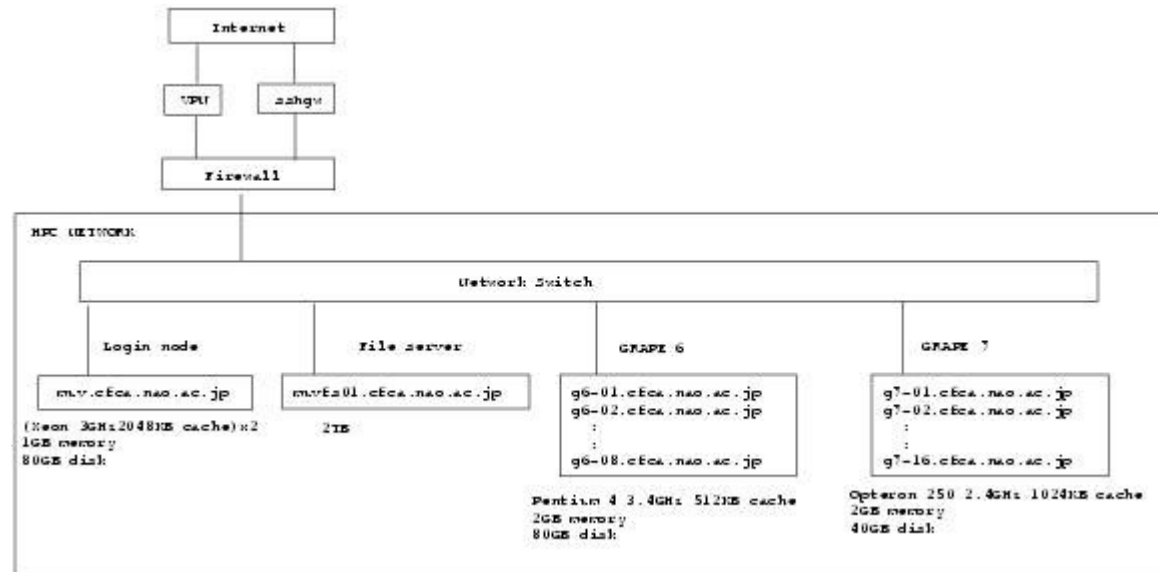
ビットを減らすことでパイプライン回路を小さくして、1つのチップに複数のパイプラインを実装



講義内容

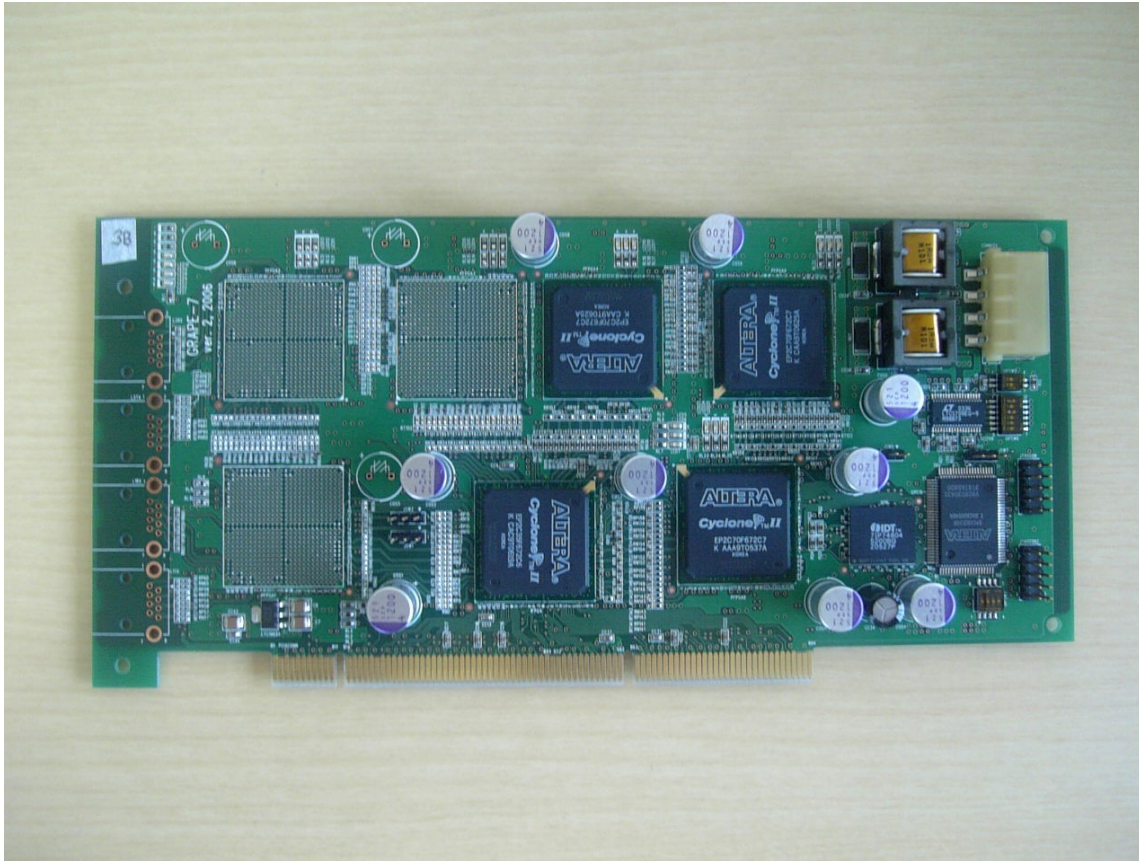
- イントロダクション
- 動作原理
- 国立天文台GRAPEシステム
- GRAPE-7 ライブラリ関数
- まとめ

国立天文台 GRAPE システム ネットワーク 構成



- 現在運用で使われているのは、GRAPE-7 model 300
- ホスト計算機
 - AMD Opteron 250, 2GB memory (古！！)
 - OS: CentOS 4.7 x86_64

GRAPE-7ボード概観(KFCR社製)



- GRAPE-5の後継機、低精度用GRAPE
- カスタムチップの代わりに再構成可能デバイス(FPGA)を使用
- 高速インターフェース(PCI-X)の採用

GRAPE-7 (model 300)仕様

ピーク演算性能

182Gflops

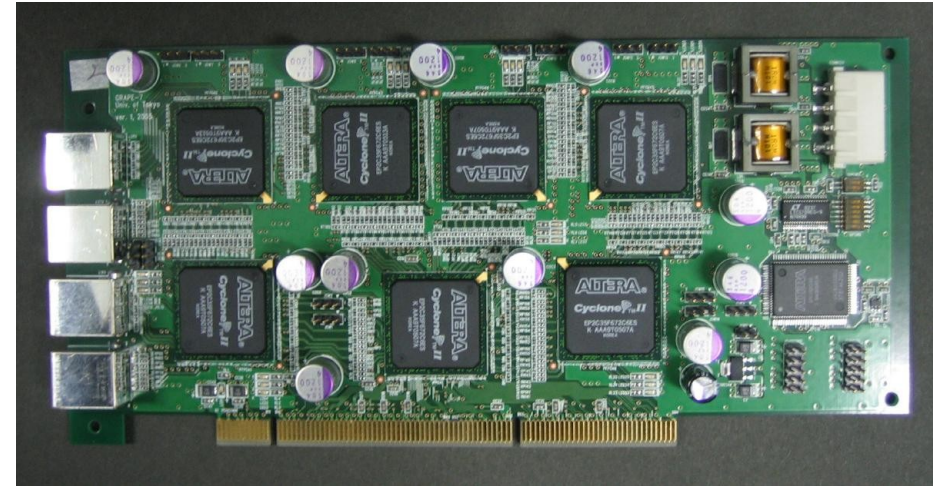
データ転送速度

実行最大700MB/S

•重力演算チップ数	ボードあたり3個(Altera CyclonII EP2C70)
•重力演算パイプライン数	チップあたり16、ボードあたり48
•ボード動作周波数	100MHz
•仮想パイプライン数	ボードあたり256
•ホスト計算機との接続	PCI-X 100MHz
•ホスト計算機とのデータ転送速度	ピーク800MB/s、実行最大 700MB/s
•粒子メモリ	12k粒子
•近接粒子リストメモリ	1パイプライン当り72
•相互作用	カットオフをもつ中心力
•計算精度	pairwiseの相対誤差 0.3%

GRAPE-7 (model 600) 仕様

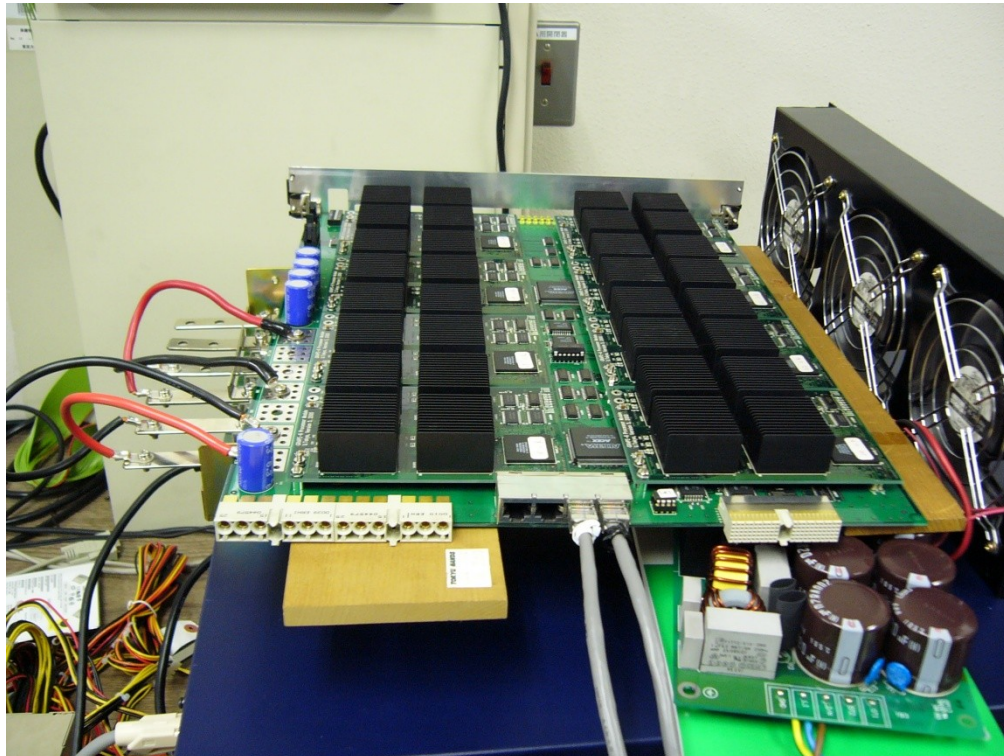
ピーク演算性能 364Gflops
データ転送速度 最大700MB/S



- | | |
|------------------|-------------------------|
| •重力演算チップ数 | ボードあたり6個 |
| •重力演算パイプライン数 | チップあたり16、ボードあたり96 |
| •ボード動作周波数 | 100MHz |
| •仮想パイプライン数 | ボードあたり256 |
| •ホスト計算機との接続 | PCI-X 100MHz |
| •ホスト計算機とのデータ転送速度 | ピーク800MB/s、実行最大 700MB/s |
| •粒子メモリ | 24k粒子 |
| •近傍粒子リストメモリ | 1パイプライン当り144 |

GRAPE-6仕様

- 高い計算精度とindividual timestep法のための機能を実装
 - 加速度の時間微分を計算する機能
 - 予測子を計算する機能
- ピーク演算速度: 1037Gflops (32チップ搭載ボードの場合)



講義内容

- イントロダクション
- 動作原理
- 国立天文台GRAPEシステム
- GRAPE-7 ライブラリ関数
- 最近のトレンド
- まとめ

計算手順

1. 全粒子の座標と質量をGRAPE上のメモリに書き込む(j 粒子: 力を与える粒子)
2. パイプライン本数分の粒子(i 粒子: 力を受ける粒子)の座標、ソフトニング値をGRAPE上のパイプラインレジスタに書き込む
3. 計算開始信号をGRAPEに送る
4. 計算を終了を待つ
5. 計算結果をGRAPE上のパイプラインレジスタから読み出す
6. すべての粒子(i 粒子)について計算を行う

コーディング例 (直接計算法)

```
/* variable declaration */
static double mj[NMAX], xj[NMAX][3];
static double eps2, acc[NMAX][3], pot[NMAX];
double xmax = 10.0, xmin = -10.0, mmin = 0.001;
int i, n, nn, step, nstep;
int npipes = g5_get_number_of_pipelines();
.....

g5_open();
g5_set_range(xmin, xmax, mmin);
for (step = 0; step < nstep; step++) {
    /* force calculation */
    g5_set_jp(0, n, xj, mj);
    g5_set_eps2_to_all(eps2);
    g5_set_n(n);
    for (i = 0; i < n; i += npipes) {
        nn = npipes;
        if (i + nn > n) {
            nn = n - i;
        }
        g5_calculate_force_on_x(xj+i, acc+i, pot+i, nn);
    }
    /* orbital integration */
    .....
}
g5_close();
```

GRAPE-7ユーザーライブラリ

- ヘッダファイル

/misc/local/g7pkg2.1/include/g5nbutil.h

- ライブラリ

/misc/local/g7pkg2.1/lib/libg75nb.a

/misc/local/g7pkg2.1/lib/libhib.a

- マニュアル

/misc/local/g7pkg2.1/doc/g5user-j.pdf

/misc/local/g7pkg2.1/doc/g5nbuser-j.pdf

C, C++, Fortranから使用可能

基本的にG5互換

座標、質量のスケーリングに関する注意

座標の最大値 x_{max} 、最小値 x_{min}

全粒子のとり得る座標成分の上限と下限を指定する。

座標の分解能は $10^{-10} \times r_{max}$ 程度になる

($r_{max} \equiv x_{max} - x_{min}$)。

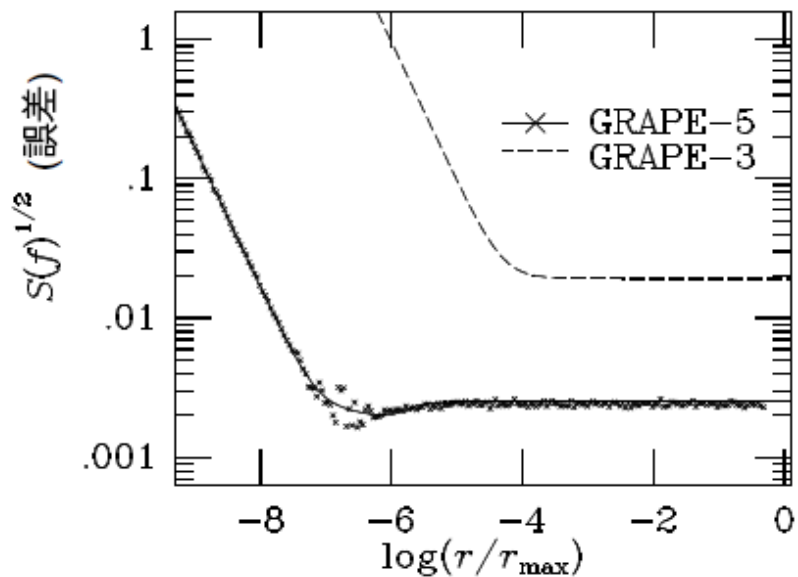
質量の最小値 m_{min}

質量の分解能を指定する。

このときソフトニング値は

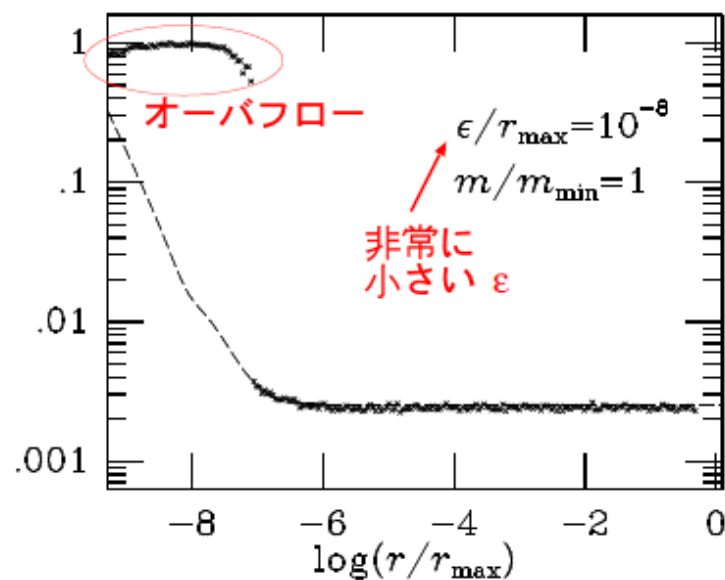
$$\epsilon \gtrsim 10^{-7} \times \left(\frac{m}{m_{min}} \right)^{1/2} r_{max}$$

となるように設定する。



$$\epsilon/r_{\max} = 10^{-6}$$

$$m/m_{\min} = 1$$



$$\epsilon/r_{\max} = 10^{-8}$$

$$m/m_{\min} = 1$$

コーディング例(近傍粒子探索)

```
static int nblist[NPIPESMAX][NBMEMSIZE], nnb[NPIPESMAX];
h = 0.01;

.....
g5_set_h_to_all(h);
.....

    for (i = 0; i < n; i += npipes) {
        nn = npipes;
        if (i + nn > n) nn = n - i;
        g5_calculate_force_on_x(xj+i, acc+i, pot+i, nn);
        nbof = g5_read_neighbor_list();
        if (nbof == 1) {
            fprintf(stderr, "NB list overflow\n");
        }
        for (ii = 0; ii < nn; ii++) {
            nnb[ii] = g5_get_neighbor_list(ii, nblist[ii]);
        }
    }
```

- プロセッサ内の1パイプライン当りに保存できる数(24粒子)を超えないように注意が必要

講義内容

- イントロダクション
- 動作原理
- 国立天文台GRAPEシステム
- GRAPE-7 ライブラリ関数
- 最近のトレンド
- まとめ

SIMD

- 今のコンピュータのほとんどはノイマン型
 - 命令も読み込む必要
 $a+b \rightarrow a$ と b と $+$ も読み込む
- CPU-メモリ転送がボトルネック
- 1回の命令で複数のデータ処理すれば効率があがる
 - $a[3..0] + b[3..0]$ とベクトル的に処理
 - Single Instruction Multiple Data(SIMD)

CPU/GPUの高速化の主流な方法

“GRAPE” on SIMD

- CPU

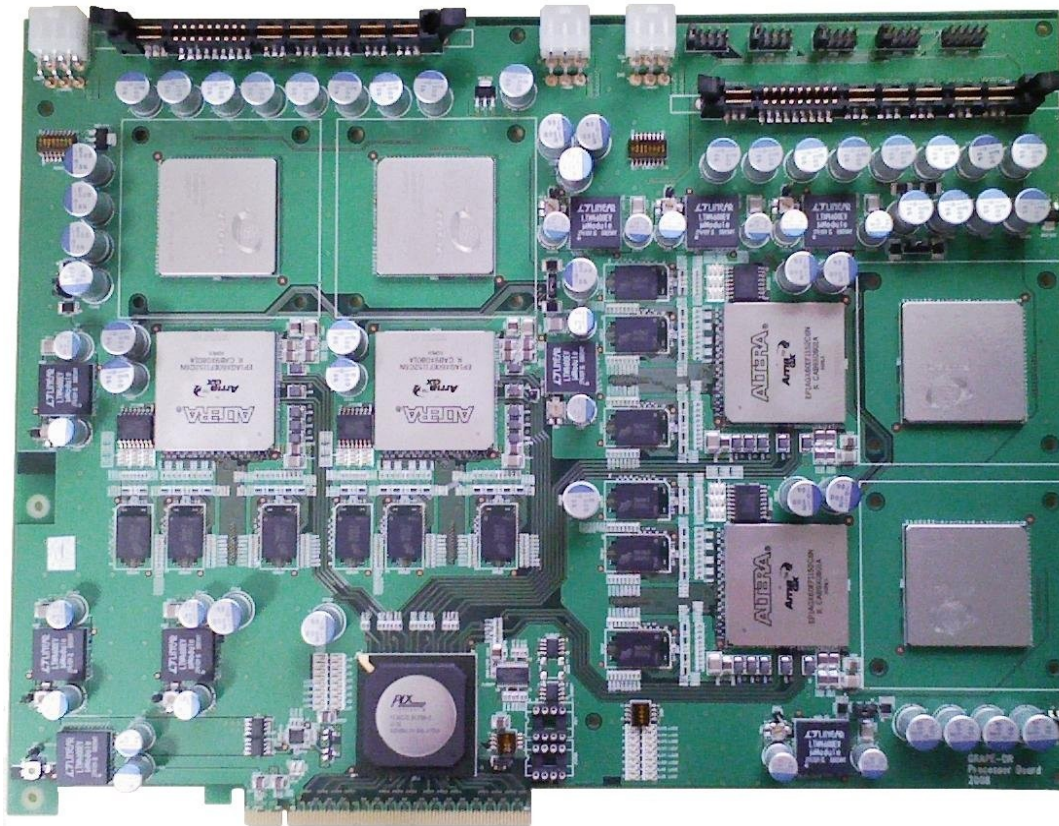
- MMX/SSE/AVX
- AVXではdouble 4要素に同時演算
- Phantom-GRAPE by K.Nitadori

- GPU

- Processor Element(PE)を多数ならべて画像処理
- 科学技術計算も可能
- スパコンでも使われる(Tsubame, 出島、天河,,,))
- 重力計算(nVidia by Nitadori, ATI by Nakasato)

- GRAPE-DR

GRAPE-DR



- 512PE on chip
- ピーク性能: 1.8Tflops(倍精度加算単精度乗算),
0.925Tflops(倍精度加算倍精度乗算)
- ・ キャッシュなどの分の回路リソースもPEに→(電力)効率が高い

GRAPE-8



- Structured-ASIC上に重カパイプライン(低精度型)を実装

 - FPGAより効率がよい(より多くのパイプラインが入る)

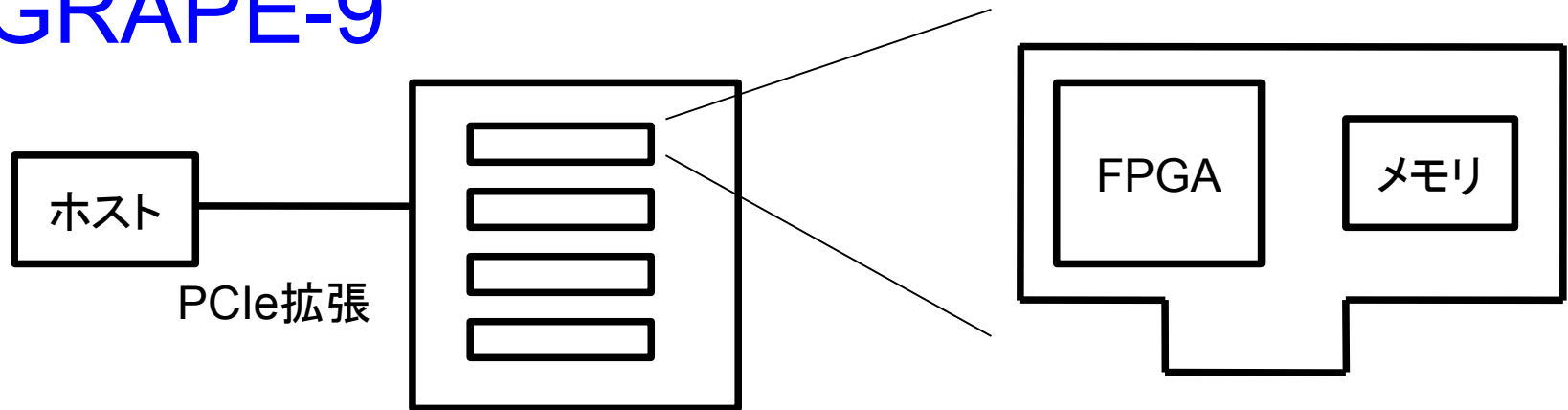
- ボード: 2個のG8 チップ,制御用FPGA,電源モジュール

- 性能: 48 パイプライン 250MHz駆動→450Gflops/chip

 - ボードあたり 900Gflops/45W

- IF: PCIe Gen1 x8

GRAPE-9



-GRAPE-7の後継機、KFCRで開発中

(FPGAベース、という意味で)

-PCIe拡張ボックスに多数のFPGAボードが入ったもの

-個々のボード: FPGA + SO-DIMMメモリ

-FPGAに重カパイプライン(低/高精度型の両方)

-来年度にMUVに導入(のはず)

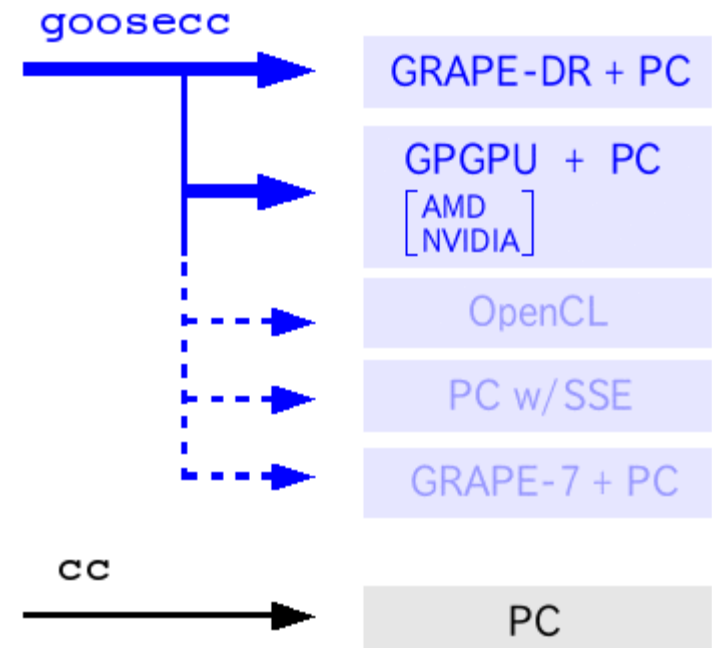
開発環境

- 重力計算については誰かがライブラリーを作ればよいが...
- GPGPU
 - NVIDIA **CUDA**
 - ATI(AMD) ATI stream SDK(**brook+**, **CAL**, **IL**)
- より汎用的な環境
 - **OpenCL**(ベンダーに依存しないプラットフォーム)
 - **LSUMP**(ATI/GRAPE-DR用コンパイラ by 中里さん)
 - **Goose**(ドメイン特化型コンパイラ by KFCR)

Goose記述例

```
#pragma goose parallel for loopcounter(i, j) \
precision("double")
for (i = 0; i < n; i++) {
  for (j = 0; j < n; j++) {
    for (k = 0; k < 3; k++) {dx[k] = x[j][k] - x[i][k]; }
    r2 = dx[0] * dx[0] + dx[1] * dx[1] + dx[2] * dx[2]

    + eps2;
    rinv = rsqrt(r2);
    mrinv = m[j] * rinv;
    mr3inv = mrinv * rinv * rinv;
    for (k = 0; k < 3; k++) {
      a[i][k] += mr3inv * dx[k];
    }
    pot[i] -= mrinv;
  }
}
```



まとめ

- GRAPEの動作原理
- 国立天文台GRAPEシステム
- GRAPE-7関数ライブラリの使用方法
- 最近のトレンド

について説明した